



#### **Autor(res)**

Célia Regina Martinez Fortunato  
Alcione Antunes Barbosa De Souza  
Thays Fortes Costa  
Isabelle Peixoto Diske Januário  
Natasha Godoi Simas  
Matheus Costa Silva  
Maria Cristina De Oliveira

#### **Categoria do Trabalho**

1

#### **Instituição**

CENTRO UNIVERSITÁRIO ANHANGUERA DE SÃO PAULO

#### **Resumo**

Introdução: O ciprofloxacino pertence ao grupo das fluoroquinolonas, substâncias que bloqueiam determinadas enzimas de bactérias que têm um papel fundamental no metabolismo e na reprodução bacteriana, matando as bactérias causadoras da doença. Metodologia Para esse trabalho tivemos como método de pesquisa os bancos de dados da Molinspiration, SwissAdme e o site SanarMed Desenvolvimento: Seguindo as regras e características de Lipkins, sua estrutura molecular é aceitadora e doadora de ligações de hidrogênio, devido seu LogP, TPSA, MM. Ligante GPCR 0,12; Modulador de canal iônico - 0,04; Inibidor de quinase -0,07; Ligante de receptor nuclear 0,19; Inibidor de protease -0,20; Inibidor de enzima 0,28; miLogP -0,70; TPSA 74,57; Átomos 24; MW 331,35; nON 6; nOHNH 2; nviolações 0;

nrotb 3; Volume 285,46. Conclusão: A ciprofloxacina não tem nenhuma violação com relação a estrutura de outro medicamento. É uma molécula com boa flexibilidade e a biodisponibilidade oral. Referências: <http://www.swissadme.ch/>

<https://www.molinspiration.com/>

<https://sanarmed.com/resumo-ciprofloxacino-ligas/>